**审稿意见与作者修改说明（稿号：2019-0073 ）**

——————————————**初审专家意见与作者修改说明**—————————————

专家1意见：

此文总体质量良好，题目偏大，关键词要斟酌，文献建议继续充实，还有少量问题请看审回稿（在修订状态下查看）。

专家2意见：

1、Blood stream infection, BSI 临床应叫血流感染，包括败血症（病原菌及其毒素侵入血流所引起的临床综合征，是一种严重的全身感染性疾病，病原菌主要是细菌，也可以是真菌、分枝杆菌等）、菌血症（细菌在血流中短暂出现的现象，一般无明显的毒血症状，在国外文献中常与败血症通用）。请核实文中定义的准确性。

2、血流感染早期诊断与病原菌识别的主要方法包括：血培养、感染标志物检测（针对免疫和炎症反应的指标，TNF、PCT、IL-6、GRP、内毒素等等）、分子生物学检测。文中谈及血培养与分子生物学检测（核酸检测和蛋白质检测），没有涉及感染标志物检测的相关内容，请补充。

3、文中述及的方法不够完善，作为综述类文章，全文参考文献仅33篇，要在阅读大量文献的基础上，对所有涉及的方法进行表述及分析，才能称得上是一篇技术研究进展综述，才可以用于指导读者，使其对该领域有全面的认识。

4、其他具体问题见文中批注。

回复：

回复专家1：

题目已修改，本文主要论述了分子生物学早期诊断血流感染的方法。关键词已加入“进展”，文献已进行充实。

回复专家2：

1、对于血流感染的定义已进行修改，blood stream infection应为血流感染，之前对于定义不够严谨。

2、本篇综述主要论述血流感染早期诊断的分子生物学检测方法，不涉及感染标志物检测，之前题目过大，过于宽泛，已进行修改。

3、已对血流感染的分子生物学检测方法进行补充。

4、文章中批注已进行逐条修改。

——————————————**复审专家意见与作者修改说明**—————————————

复审意见：

文章基本符合发表要求，文中有几处错误，建议修正后接收。

回复：已按照要求修改。

——————————————**定稿会意见与作者修改说明**——————————————

请针对以下问题进行修改完善后可以发表。意见如下：

建议搜索全基因组测序用于血源性病原菌早期诊断的文献。

回复：已查阅全基因组测序在血源性病原菌早期诊断应用的文献，并对文章进行了修改。