**审稿意见与作者修改说明（稿号：2018-0322 ）**

——————————————**初审专家意见与作者修改说明**—————————————

专家意见：

**1.结果中PFGE分子分型的描述过于简单，可侧重进一步描述两种优势血清型的分子型别种类及特征，并在摘要中做相应的修改。笼统的进行不同血清型菌株的PFGE比较分析不具有意义。**
回复：同意老师意见。已根据老师的意见，进行相关修改。

**2.文章中列出的血清型种类是17种，需进一步核实；需要交代为什么选了76株分离株中的69株做PFGE分析，入选或未选理由。**

回复：同意老师意见。经核实，本文血清型确为17种。在76株分离株中有7株没有被Xba I酶切开，可能在实验中存在降解或其他原因，所以没有列入PFGE分析。

**3.建议补充细菌基因或者基因组的溯源和遗传进化分析方面的研究内容。**

回复：本文主要探讨本地区食源性沙门菌血清型别和PFGE分子型别特征，故没有加入其它分子遗传溯源研究，感谢老师的宝贵意见，已在本文讨论中注明，将在后续的研究中进行其他相关分子生物学研究。

**4.英文摘要做相应修改，其余修改见上传稿件。**

回复：同意老师意见。已根据老师意见，做相应修改。

——————————————**复审专家意见与作者修改说明**—————————————

专家意见：

**专家1：已经按照要求修改，建议发表。**

**专家2：本篇文章内容简单，不建议全文发表。**

——————————————**定稿会意见与作者修改说明**——————————————

请针对以下问题进行修改完善后可以发表，意见如下：

**定稿会专家意见及作者修改说明：**

**文章对合肥市2个哨点医院3年中腹泻病人来源的沙门菌进行了血清学、PFGE的初步分析，建立了数据库，这对将来应对区域性暴发、发现暴发具有重要意义。但鉴于该类论文较多，且本文监测地区范围较小，且未发现合肥市与其他地区在病原特征上特殊之处，文中方法描述部分有些粗糙，与正式论文存在一定差距。**

**作者修会后定稿会专家复审：**

**可以录用。**

**文章已按要求做了相应的修改。对了解流行状况有意义。建议录用。**