**审稿意见与作者修改说明（稿号：2018-0518 ）**

——————————————**初审专家意见与作者修改说明**—————————————

专家意见：

**1.最好在讨论第二段中加入我国人群沙门菌感染耐喹诺酮类药物的情况，及动物或人群中弯曲菌耐喹诺酮类药物情况，进一步说明动物中该类抗生素的应用导致人群感染潜在耐药风险增加的可能。**

回复：同意修改。请详见讨论部分的第二段。

**2.英文摘要存在少量语法问题，建议修改。**

回复：同意修改。已在文中做出修改。

**3. 2017年全年菌株应该已可用，如能补充2017年菌株及2018年部分菌株会更有实践意义。**

回复：不同意修改。理由：目前只有2006-2016年的动物源性沙门菌菌株，后面若有2017和2018年的菌株，会继续补充相关实验数据。

**4. 动物源性沙门菌除分离自畜禽外是否还有其他来源？目前是否有规范的表述？如动物源性均来自于畜禽，则可将畜禽二字删去。下同。**

回复：不同意修改。理由：动物源性沙门菌还可来源于爬行类、昆虫等，本文研究的菌株来自于鸡、猪、鸭、羊等畜禽类。

专家意见：

**5. 血清型别也是本文的一个重要研究方面，应该予以体现。**

回复：同意修改。已将题目改为：2006-2016年我国畜禽动物源性沙门菌的血清型分布及耐药特征.

**6. 耐药特征隐含着耐药存在，然后展现其特征，是否开展此研究之前，对其存在的耐药情况就已了解？**

回复：没有。开展研究之前都只是从文献中了解，但具体分布不清楚。而且，现有文献也只是展示不同地区各自的耐药特点，未从全国层面研究。

**7. 既往已经有很多耐药研究了是吗？为什么在自检报告中否认发表过同类研究？既有的是什么？缺乏的是什么？哪个方面的补充？**

回复：同意修改。因之前对自检报告中您提出的这个问题理解有误，现已纠正，实际是既往国内已发表过反应我国动物源性沙门菌耐药情况的同类研究。既有的文献反应具体某地区菌株耐药情况偏多，缺少全国层面的数据分析。另外，本研究应该是完善我国动物源性沙门菌耐药的数据，之前用“补充”不准确，已在文中做出修改。

**8. 多重耐药沙门菌是否已经是明确的问题？**

回复：是的。多重耐药的沙门菌已成为许多国家临床医学和兽医医学所面临的主要问题。

**9. 目前的监测系统是什么？该系统已存在还是需要建立？实时监测的可行性？**

回复：目前的监测系统在动物传染病方面已有，但耐药并未及时检测。实时监测短期内不能实现，但随着基因组测序技术的快速发展，相信在不久的将来是能实现的。

**10. 目前禽畜用抗生素的实践是什么？此研究期间是否有变化？是否能解释此结果？**

回复：同意修改和补充。具体修改请详见讨论部分的第二段。

**11.其他意见详见批注，批注中问题非常多而且针对性比较强，请一定认真修改，逐条回复。**

回复：批注中的其他意见已经逐条回复。

——————————————**复审专家意见与作者修改说明**—————————————

专家意见：

**按照杂志要求的格式整理后提交录用。**

——————————————**定稿会意见与作者修改说明**——————————————

本文经这次修改后，基本达到要求，可以发表，谢谢！