

## 《疾病监测》审稿意见与作者答复

题目：宁波地区耐多药结核分枝杆菌北京基因型的流行及与喹诺酮耐药关系研究

作者：车洋；杨天池；平国华；林律；

—————审稿专家意见与答复—————

### 审稿专家意见及作者修改说明：

#### 修改意见：

- 1、作者应补充者两年查出多少例。耐药多少例。如果是耐药患者全部检查了，结果才能代表宁波地区的疫情。如果不是全部患者是，就要补充入组标准。而且不能代表本地区。
- 2、请针对专家审稿意见，使用修订模式修改或在文中标红修改部分；并附上修改说明逐条答复专家提出的问题，注意下载审改稿。

#### 修改说明：

- 1、根据老师意见已经在文章材料方法中的菌株来源中补充了具体数据，宁波地区 11 个县（市）、区 2014-2016 年耐药监测期间共收集培养阳性菌株 1481 株，其中结核分枝杆菌 1274 株（86.02%），非结核分枝杆菌 207 株（13.98%）。1274 株结核分枝杆菌中，耐药菌株为 370 株（29.04%），耐多药菌株 106 株（8.32%），耐药患者全部筛查，能代表宁波地区疫情。
- 2、根据专家审稿意见（专家都标记在文中相应位置）已经在文中相应位置用红字按照专家意见进行了修改，具体如下：
  - （1）表 2 增加了 % 数据
  - （2）结果地方增加了不同基因型耐多药结核分枝杆菌人群耐喹诺酮情况及表 3
  - （3）讨论地方增加了人群耐喹诺酮情况相关讨论及参考文献

—————定稿会意见与答复—————

#### 定稿会意见：

本文经这次修改后，基本达到要求，可以发表，谢谢！