

《疾病监测》审稿意见与作者答复

题目：自贡市食品和环境携带屎肠球菌的耐药性和多位点序列分型研究

作者：杨晶；王红；朱文涛；张桂；金东；

—————审稿专家意见与答复—————

审稿专家意见及作者修改说明：

本稿件针对自贡市食品和环境中的屎肠球菌污染状况开展调查，方法较为恰当，监测数据对于该菌可能引起的食源性疾病的防控具有指导性意义。文章书写较规范。

感谢评审专家对论文稿件细致严谨的审阅，根据专家的建议，作者对本稿件进行了相应的修改。非常感谢审稿人的建设性意见和建议，使本论文得到进一步完善和提高。也根据杂志的要求，对文章中的表格和数字（精确到小数点后2位）以及引文格式等要求做了相应修改。具体审稿意见答复如下：

1. 如可能的话，请在讨论中补充在不同研究中屎肠球菌的耐药谱，并与本研究结果做比较说明；

回答：按照专家的建议，对讨论段落进行了相应修改，

2. 本研究中药敏实验质控菌株为何选用粪肠球菌 ATCC 29212？

回答：屎肠球菌和粪肠球菌在菌株形态、耐药特征以及部分保守基因序列等方面，都有非常相似的特点。所以，在实验菌株的搜集和菌株药敏检测过程中，本研究选用的质控菌株为粪肠球菌。而我们的研究表明，粪肠球菌 ATCC 29212 作为质控菌株，对实验结果的判读没有影响。

3. 需要补充部分说明，请详见稿件。

回答：已经进行了相应的修改，详情见稿件。

4. 157 份样品中检出 44 份阳性的菌株，157 份样品分别来自不同地区的农贸市场、餐馆、菜市场等，作者应分别对 44 株阳性菌株的来源进行分析，增加相应的流行病学资料，以期了解该类细菌是否为聚集性？对于 MLST、耐药基因等也应结合阳性菌株的流行病学分布特征展开。

回答：根据专家的建议，在结果描述和耐药分析中加入了菌株来源的分析。结果表明，44 株屎肠球菌分离株，13 株菌株属于 ST94 克隆群的菌株，其分离来源来自 11 个不同的农贸市场和餐馆，该克隆群是自贡地区的熟肉制品中主要的 ST 型别。详细修改见稿件。

—————定稿会意见与答复—————

定稿会意见：

本文经这次修改后，基本达到要求，可以发表，谢谢！